

Дополнительные материалы к статье

Юдинцева А.В., Романова Е.В., Щербаков Д.Ю., Букин Ю.С.

Математическая биология и биоинформатика. 2025. Т. 20. № 1. С. 54–70.

doi: [10.17537/2025.20.s4](https://doi.org/10.17537/2025.20.s4)

Филогенетические реконструкции байкальских амфипод и голарктического вида *Gammarus lacustris*

Здесь представлены результаты филогенетических реконструкций байкальских амфипод и голарктического вида *Gammarus lacustris*, с переназначением и без переназначения кодонов вследствие ремолдинга тРНК генов, построенные по митохондриальным белковым комплексам АТФ, COX, CYTB и ND.

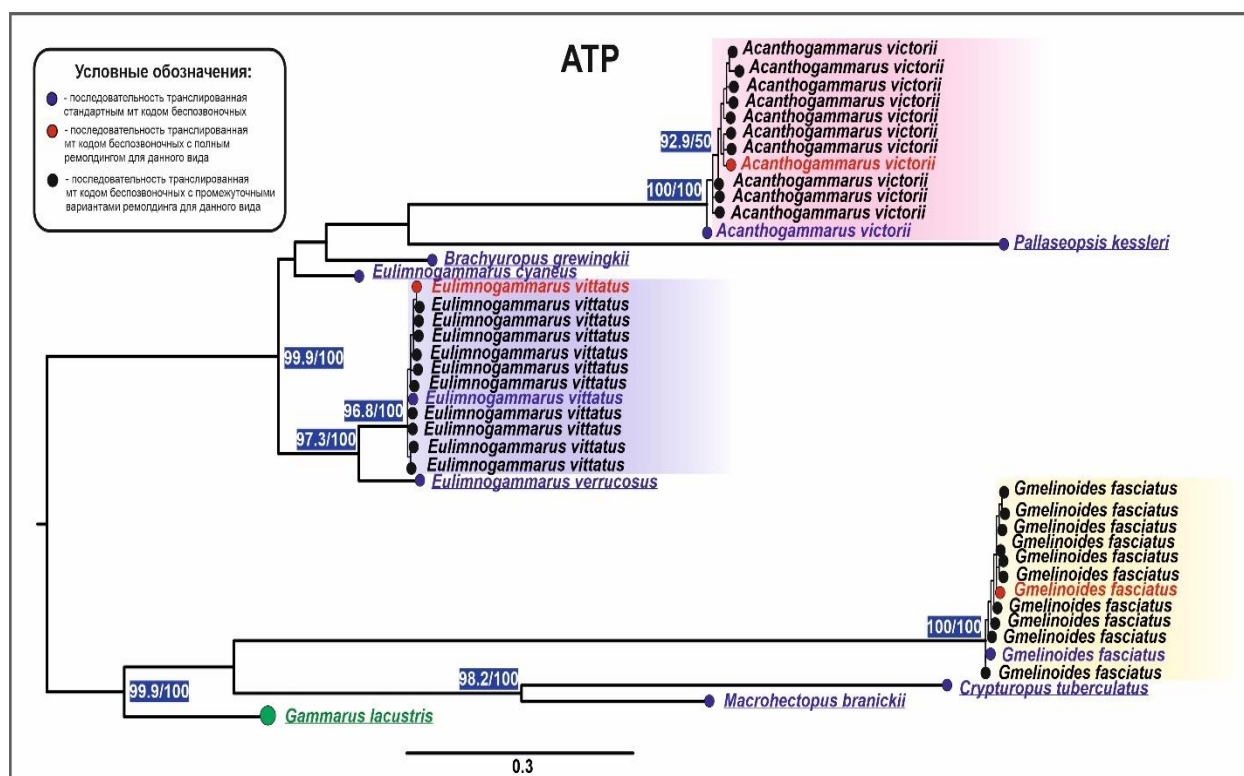


Рис. 1. Филогенетическое дерево байкальских амфипод, а также голарктического вида *G. lacustris*, с переназначением и без переназначения кодонов вследствие ремолдинга тРНК генов, построенное по аминокислотным последовательностям АТФ-синтаз. В узлах дерева указаны поддержки топологии по методам SH-aLRT и ultrafast bootstrap (%).

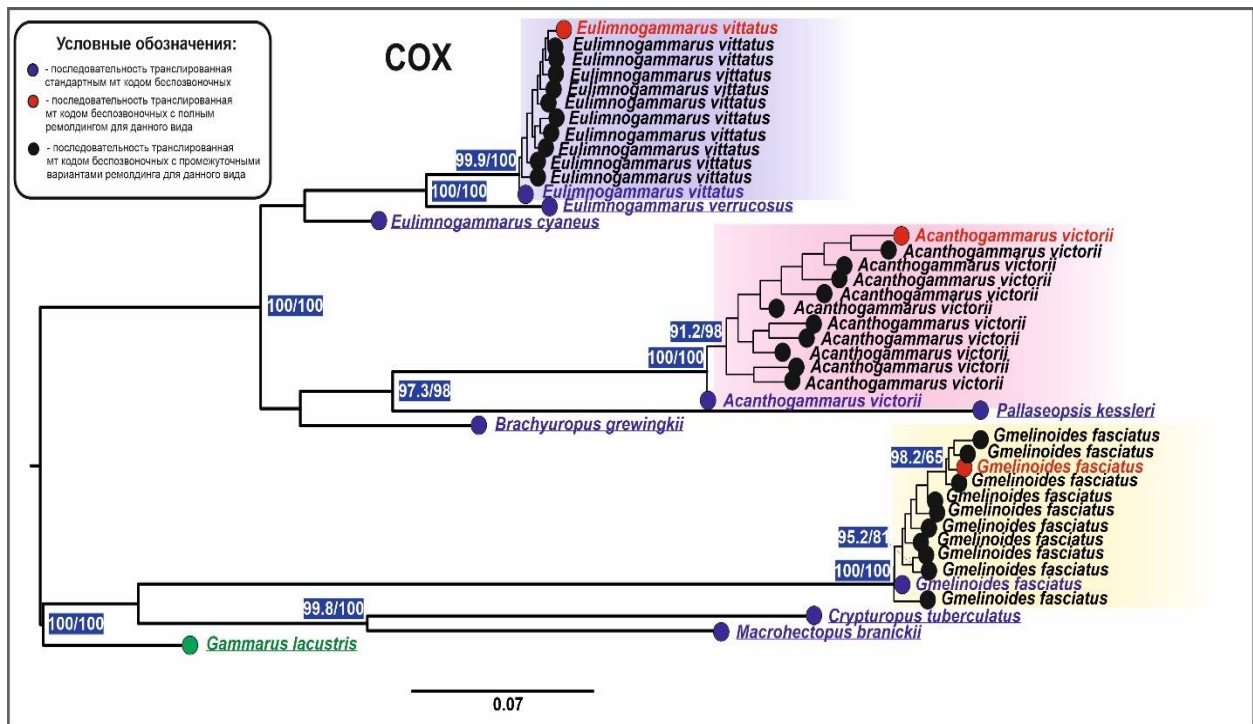


Рис. 2. Филогенетическое дерево байкальских амфипод, а также голарктического вида *G. lacustris*, с переназначением и без переназначения кодонов вследствие ремодлинга тРНК генов, построенное по аминокислотным последовательностям цитохром-с-оксидаз. В узлах дерева указаны поддержки топологии по методам SH-aLRT и ultrafast bootstrap (%).

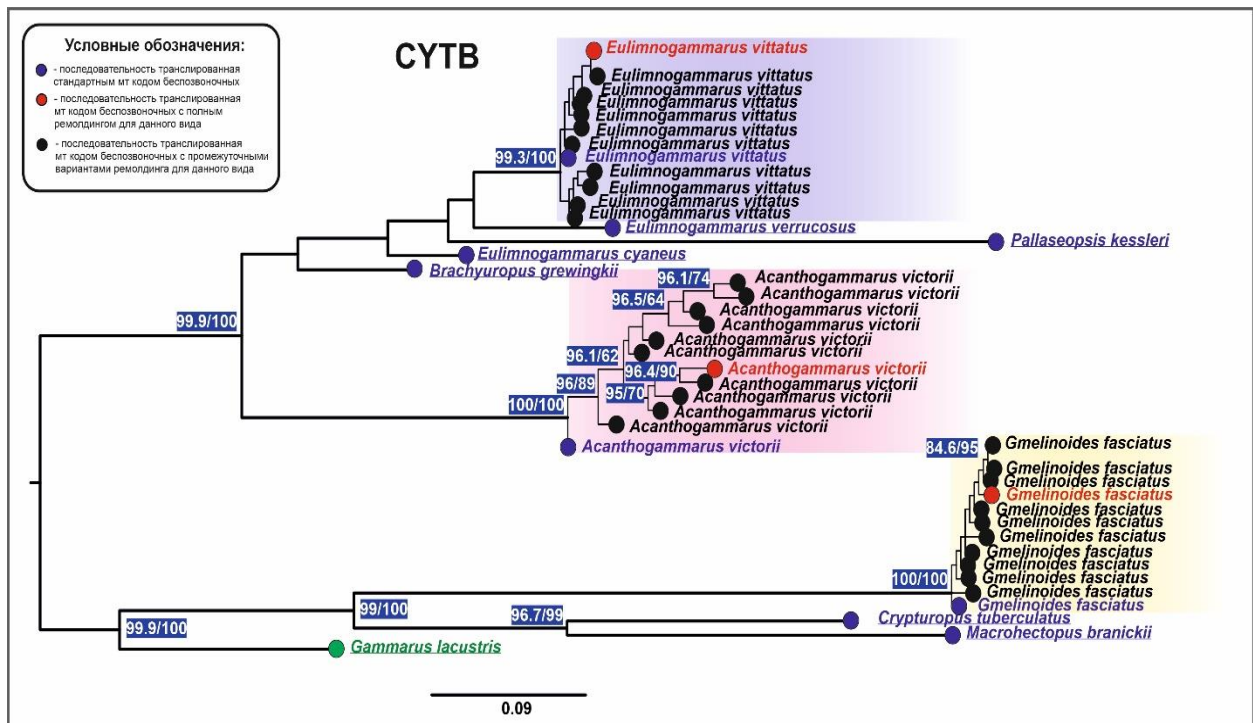


Рис. 3. Филогенетическое дерево байкальских амфипод, а также голарктического вида *G. lacustris*, с переназначением и без переназначения кодонов вследствие ремодлинга тРНК генов, построенное по аминокислотным последовательностям цитохромов *b*. В узлах дерева указаны поддержки топологии по методам SH-aLRT и ultrafast bootstrap (%).

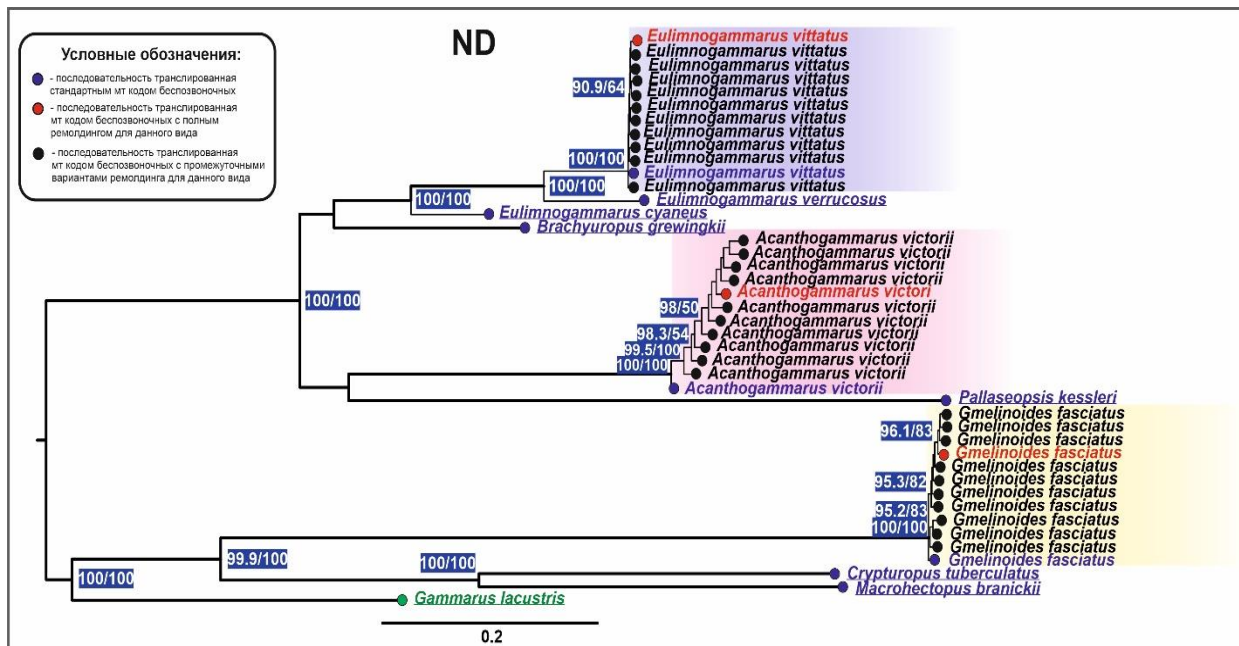


Рис. 4. Филогенетическое дерево байкальских амфипод, а также голарктического вида *G. Lacustris*, с переназначением и без переназначения кодонов вследствие ремодлинга тРНК генов, построенное по аминокислотным последовательностям NADH-дегидрогеназ. В узлах дерева указаны поддержки топологии по методам SH-aLRT и ultrafast bootstrap (%).